

Spisak softvera potrebnog za predmet Uvod u bioinformatiku

Anacoda

[Anaconda](#) je platforma koja se koristi u zajednici koja se bavi mašinskim učenjem i naukom o podacima. Omogućava jednostavno kreiranje okruženja za rad i laku instalaciju, ažuriranje i brisanje paketa. Programski jezik Python i mnogi paketi koje ćemo koristiti na kursu će već biti dostupni u okviru Anaconda platforme.

Za informacije o instalaciji možete pogledati [zvaničnu stranu](#).

Za pregled funkcionalnosti Anconda upravljača paketima koji se zove conda možete proći kroz [kratak popis](#).

Python

Programski jezik Python je jezik opšte namene koji se zbog svoje jednostavne i intuitivne sintakse brzo i lako uči. Veliki broj biblioteka zasnovanih na njemu i pogodnosti koje one pružaju za rad sa podacima čini ga najpogodnijim izborom za uvodni kurs bioinformatike. Verzija jezika sa kojom ćemo raditi je Python 3.8. Predlažemo da posetite i [zvanični sajt](#) Python jezika i neki od [RealPython](#) tutoriala ukoliko se prvi put susrećete sa ovim jezikom.

Jupyter notebook

[Jupyter notebook](#) je veb aplikacija koja omogućava interaktivno pisanje i pokretanje Python koda. Podesna je za eksplorativnu analizu podataka, razvoj modela, razne vizuelizacije, prezentacije rezultata i slično. Jupyter notebook dolazi kao sastavni deo Anaconda platforme i može se jednostavno pokrenuti navođenjem komande `$\texttt{jupyter notebook}` u terminalu nakon pozicioniranja u željeni direktorijum za rad. Nakon ovoga će se otvoriti koreni direktorijum u veb pregledaču, najčešće na adresi koja je oblika localhost:8888 .

Za više informacija o Jupyter aplikaciji možete pogledati [zvaničnu stranicu](#) projekta.

Osnovne funkcionalnosti Jupyter okruženja se mogu proširiti instaliranjem odgovarajućih paketa. Predlažemo da istražite paket [jupyter_contrib_nbextensions](#) koji nudi neke zanimljive funkcionalnosti poput korišćenja grafičkih komponenti, formatera koda, provere pravopisa i drugih.